



Váš dopis ze dne 23. prosince 2020

Praha 5. ledna 2021

Č. j.: MZDR 52459/2020-9/MIN/KAN



MZDRX01DU69R

Odpověď Ministerstva zdravotnictví na žádost o informaci dle zákona č.106/1999 Sb., o svobodném přístupu k informacím, ve znění pozdějších předpisů

K Vámi podané doplněné žádosti o poskytnutí informace dle zákona č. 106/1999 Sb., o svobodném přístupu k informacím, ve znění pozdějších předpisů, doručené Ministerstvu zdravotnictví dne 23. prosince 2020, evidované pod č. j.: MZDR 52459/2020-7/MIN/KAN, ve věci dotazů: *Ve kterém z dokumentů Vámi zaslaných je přesně uveden postup izolace a výsledkem je izolovaný vir SARS-CoV-2? Jinak řečeno, který z Vámi zaslaných dokumentů je publikovanou studií o izolaci viru SARS-CoV-2 (= prokázání existence nového koronaviru SARS-CoV-2)?*, Vám sdělujeme následující:

Zmínka o izolaci a identifikaci viru SARS-CoV-2 je například uvedena v těchto následujících člancích:

- 1) *Ludwig S, Zarbock A. Coronaviruses and SARS-CoV-2: A Brief Overview. Anesth Analg. 2020;131(1):93-96. doi:10.1213/ANE.0000000000004845*

SEVERE ACUTE RESPIRATORY SYNDROME CORONAVIRUS 2

„At the end of December 2019, China reported the increasing occurrence of pneumonia in the city of Wuhan, Hubei province. **In January 2020, a novel β -CoV was identified as the cause. When the virus was first isolated from pneumonia cases in Wuhan, China, in December 2019, it was named 2019 novel coronavirus (2019-nCoV). As**





more information and genetic analyses became available, the virus was given the official name of SARS-CoV-2 by the International Committee for Taxonomy of Viruses, while the WHO named the disease caused by the virus, COVID-19.

- 2) Zhu, N., Zhang, D., Wang, W., Li, X., Yang, B., Song, J., Zhao, X., Huang, B., Shi, W., Lu, R., Niu, P., Zhan, F., Ma, X., Wang, D., Xu, W., Wu, G., Gao, G. F., Tan, W., & China Novel Coronavirus Investigating and Research Team (2020). A Novel Coronavirus from Patients with Pneumonia in China, 2019. *The New England journal of medicine*, 382(8), 727–733. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa2001017>

Tento článek se věnuje izolaci viru velmi podrobně, včetně postupu, například v této pasáži:

Detection and Isolation of a Novel Coronavirus

Three bronchoalveolar-lavage samples were collected from Wuhan Jinyintan Hospital on December 30, 2019. No specific pathogens (including HCoV-229E, HCoV-NL63, HCoV-OC43, and HCoV-HKU1) were detected in clinical specimens from these patients by the RespiFinderSmart22kit. RNA extracted from bronchoalveolar-lavage fluid from the patients was used as a template to clone and sequence a genome using a combination of Illumina sequencing and nanopore sequencing. More than 20,000 viral reads from individual specimens were obtained, and most contigs matched to the genome from lineage B of the genus betacoronavirus — showing more than 85% identity with a bat SARS-like CoV (bat-SL-CoVZC45, MG772933.1) genome published previously. Positive results were also obtained with use of a real-time RT-PCR assay for RNA targeting to a consensus RdRp region of pan β -CoV (although the cycle threshold value was higher than 34 for detected samples). Virus isolation from the clinical specimens was performed with human airway epithelial cells and Vero E6 and Huh-7 cell lines. The isolated virus was named 2019-nCoV.

Požadované informace o detekci viru SARS-CoV-2 jsou uvedeny i v dalších člancích, které byly uvedeny v odpovědi na Vaše prvotní podání.

S pozdravem

Mgr. Daniela Kobilková
ředitelka odboru Kancelář ministra
elektronicky podepsáno